

BAB V

KESIMPULAN DAN SARAN

5.1 Kesimpulan

Anotasi genom *C. ensiformis* melalui analisis transkriptomik berhasil dilakukan dengan total transkrip yang dihasilkan sebanyak 56.329 transkrip. Translasi *in silico* menghasilkan sebanyak 26.861 sekuens protein. Evaluasi kelengkapan protein berdasarkan BUSCO menghasilkan nilai 57%, yang menunjukkan bahwa dataset protein ini cukup informatif dan layak untuk digunakan dalam analisis genomika fungsional. Identifikasi kandidat gen kontrol internal dilakukan pada tiga famili gen yang umum digunakan, yaitu aktin, ubiquitin, dan GAPDH. Hasil identifikasi terhadap total protein *C. ensiformis*, diperoleh 28 aktin, 49 ubiquitin, dan 12 GAPDH. Analisis filogenetik juga telah dilakukan untuk menentukan pengelompokan dari gen-gen tersebut.

5.2 Saran

Untuk pengembangan penelitian selanjutnya, perlu dilakukan validasi eksperimental terhadap kandidat gen kontrol internal yang telah teridentifikasi menggunakan RT-qPCR untuk memastikan stabilitas ekspresinya. Selain itu, diperlukan pena sampel dari berbagai jaringan (akar, batang, biji, buah, dan bunga) atau tahap perkembangan *C. ensiformis*, agar cakupan transkrip dan kelengkapan hasil anotasi menjadi lebih representatif dan menyeluruh.